

\_\_\_\_\_







Query Match 14.9%; Score 427.8; DH 9; Length 1503841;  
Best Local Similarity -71.0%; Pred. No. 6,44e-85;  
Matches 597; Conservative 0; Mismatches 237; Indels 7; Gaps 2;

```

QY 2103 CTTGCTTTTAAAGCTGTCTTTTACCTTTCTTAAAGTTCTTTATGATCTCAAAAGCT 2162
Db 1422961 CTTGCTTTTAAAGCTGTCTTTTACCTTTCTTAAAGTTCTTTATGATCTCAAAAGCT 1423020
CY 2163 TTTAGGCTTATTTAGGCTCCATTTGTTATTTTGTCTTTATTTCTGMAATATCTGAGAG 2222
Db 1423021 CTTTGGTTTAAATATGATCCCATTTGTTATTTTGTCTTTATTTCTGMAATATCTGAGAG 1423080
QY 2223 * 2223
Db 1423081 T 1423081

RESULT 6
US-09-795-668-1
Sequence 1, Application US/09795668
Patent No. US20020045577A1
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Steiansson, Hreinn
APPLICANT: Steinhorsdottir, Valgerdur
APPLICANT: Gulcher, Jeffrey R.
TITLE OF INVENTION: HUMAN SCHIZOPHRENIA GENE
FILE REFERENCE: 2345, 2004-001
CURRENT AFFILIATION NUMBER: US/09/795,668
PRIORITY FILING DATE: 2001-02-28
PRIORITY APPLICATION NUMBER: US 09/515,716
NUMBER OF SEQ ID NOS: 1531
SOFTWARE: FastSeq for Windows Version 4.0
SEQ ID NO 1
LENGTH: 1503841
TYPE: DNA
ORGANISM: Homo sapiens
FEATURE:
NAME/KEY: misc_feature
LOCATION: (1)...(1531) or a
NAME/KEY: misc_feature
LOCATION: (1)...(1531)
OTHER INFORMATION: y-t/u or c
NAME/KEY: misc_feature
LOCATION: (1)...(1531)
OTHER INFORMATION: m-a or c
NAME/KEY: misc_feature
LOCATION: (1)...(1531)
OTHER INFORMATION: k-g or t/u
NAME/KEY: misc_feature
LOCATION: (1)...(1531)
OTHER INFORMATION: s-g or c
NAME/KEY: misc_feature
LOCATION: (1)...(1531)
OTHER INFORMATION: w-a or t/u
NAME/KEY: misc_feature
LOCATION: (1)...(1531)
OTHER INFORMATION: b-g or c or t/u
NAME/KEY: misc_feature
LOCATION: (1)...(1531)
OTHER INFORMATION: d-a or g or t/u
NAME/KEY: misc_feature
LOCATION: (1)...(1531)
OTHER INFORMATION: h-a or c or t/u
NAME/KEY: misc_feature
LOCATION: (1)...(1531)
OTHER INFORMATION: v-a or g or c
NAME/KEY: misc_feature
LOCATION: (1)...(1531)
OTHER INFORMATION: n-a or g or c or t/u
US-09-795-668-1

Query Match 14.9% Score 427.8; DB 10; Length 1503841;
Best Local Similarity 71.0%; Pred. No. 6,4e-85;
Matches 597; Conservative 0; Mismatches 237; Indels 7; Gaps 2;

```



[illegible][illegible][illegible]

```

RESULT 9
US-09-764-847-1944/c
Sequence 1944, Application US/09764847
Patent No. US20020132767A1
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Rosen et al.
TITLE OF INVENTION: Nucleic Acids, proteins, and Antibodies
FILE REFERENCE: PC009
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/764,847
PRIOR FILING DATE: 2001-01-17
PRIOR application data removed - consult PAM or file wrapper
NUMBER OF SEQ ID NOS: 2003
SOFTWARE: patentin ver. 2.0
SEQ ID NO 1944
LENGTH: 6053
TYPE: DNA
ORGANISM: Homo sapiens
US-09-764-847-1944

Query Match      14.8%  Score 424.6;  DR 10;  Length 6053;
Best Local Similarity 70.7%  Pred. No. 3.6e-85;
Matches 599;  Conservative 0;  Mismatches 239;  Indels 7;  Gaps 2

QY 1380 TTCTCAATCCCATATATACCTTAGTAAVACGTATTTATGCTTTTCCTCTCGCGCTTAC 1449

```





Sequence 44, Application US/0118984  
 Publication No. US20020197693A1  
 GENERAL INFORMATION:  
 APPLICANT: Berlin, John  
 TITLE OF INVENTION: NOVEL MOLECULES OF THE CARD-RELATED PROTEIN FAMILY  
 FILE REFERENCE: 07334/18001  
 CURRENT APPLICATION NUMBER: US/0118984  
 CURRENT FILING DATE: 2002-04-09  
 PRIOR APPLICATION NUMBER: US/09/245,281  
 PRIOR FILING DATE: EARLIER FILING DATE: 1999-02-05  
 PRIOR APPLICATION NUMBER: US/09/207,359  
 PRIOR FILING DATE: EARLIER FILING DATE: 1998-12-08  
 PRIOR APPLICATION NUMBER: US/09/099,041  
 PRIOR FILING DATE: EARLIER FILING DATE: 1998-06-17  
 PRIOR APPLICATION NUMBER: US/09/019,942  
 PRIOR FILING DATE: EARLIER FILING DATE: 1998-02-06  
 NUMBER OF SEQ ID NOS: 44  
 SOFTWARE: FASTSP for Windows Version 4.0  
 SEQ ID NO: 44  
 LENGTH: 32042  
 TYPE: DNA  
 ORGANISM: Homo sapiens  
 US-10-118-984-44

Query Match 14.7% Score 421.4; DB 9; Length 32042;  
 Best Local Similarity 70.5%; Pred. No. 3,66-84;  
 Matches 593; Conservative 0; Mismatches 211; Indels 7; Gaps 2;

QY 1390 TTCTTAATCCCATATATAGCGCTTATAGTACTGATATATGTTTCCTTCCTGCTTAC 1449  
 DB 12347 TCTCAATTCGCCCATATAGAGAGAAATATGCGGTTGTTGTTTCTTCCTGCTTAC 12406  
 QY 1450 TTCACCTGTATATAGGCTGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCTTAT 1509  
 DB 12407 TTCTAGCAATGATGCTTTCCTTCAATTCATGCTTCCCTCAAGCAATGATGCTTATC 12466  
 QY 1510 CTTTAAATGCTGATATATGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCTTAT 1569  
 DB 12467 ATTTTATATGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCTTAT 12526  
 QY 1570 ATCTGCTATGATGATGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 1629  
 DB 12527 TATCATTTGCTGATGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 12586  
 QY 1630 GAACATGCTGATGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 1683  
 DB 12587 AAACATGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 12646  
 QY 1684 CAGCAGTGGGCTGCTGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 1743  
 DB 12647 CAGTATGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 12706  
 QY 1744 CAGTGTGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTAT 1803  
 DB 12707 CAGTGTGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 12766  
 QY 1804 CTTTAAATGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 1863  
 DB 12767 TATTTATGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 12826  
 QY 1864 CAGTGTGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTAT 1922  
 DB 12827 AAACATGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 12886  
 QY 1923 TCTTAAATGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 1982  
 DB 12887 TCTTAAATGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 12946  
 QY 1983 ATTATGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATG 2042  
 DB 12947 CTTTAAATGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 13006

QY 2043 CAGTGTGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 2102  
 DB 13007 AAACATGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 14066  
 QY 2103 CAGTGTGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTAT 2162  
 DB 13067 CTTTAAATGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 13126  
 QY 2163 TTTAAATGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 2222  
 DB 13127 CTTTAAATGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 13186  
 QY 2223 T 2223  
 DB 13187 T 13187

## RESULT 12

US-09-728-721-63

Sequence 63, Application US/09728721

Patent No. US20020061845A1

GENERAL INFORMATION:

APPLICANT: Berlin, John

TITLE OF INVENTION: NOVEL MOLECULES OF THE CARD-RELATED PROTEIN FAMILY AND USES IN

FILE REFERENCE: 07334-124001

CURRENT FILING DATE: 2000-12-01

PRIOR APPLICATION NUMBER: 09/340,620

PRIOR FILING DATE: 1999-06-28

PRIOR APPLICATION NUMBER: US/09/207,359

PRIOR FILING DATE: 1998-12-08

PRIOR APPLICATION NUMBER: US/09/099,041

PRIOR FILING DATE: 1998-06-17

PRIOR APPLICATION NUMBER: US/09/019,942

PRIOR FILING DATE: 1998-02-06

NUMBER OF SEQ ID NOS: 71

SOFTWARE: FASTSP for Windows Version 4.0

SEQ ID NO: 63

LENGTH: 32042

TYPE: DNA

ORGANISM: Homo sapiens

US-09-728-721-63

Query Match 14.7% Score 421.4; DB 10; Length 32042;  
 Best Local Similarity 70.5%; Pred. No. 3,66-84;  
 Matches 593; Conservative 0; Mismatches 211; Indels 7; Gaps 2;

QY 1390 TTCTTAATCCCATATATAGCGCTTATAGTACTGATATATGTTTCCTTCCTGCTTAC 1449  
 DB 12347 TCTCAATTCGCCCATATAGAGAGAAATATGCGGTTGTTGTTTCTTCCTGCTTAC 12406  
 QY 1450 TTCACCTGTATATAGGCTGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCT 1509  
 DB 12407 TTCTAGCAATGATGCTTTCCTTCAATTCATGCTTCCCTCAAGCAATGATGCTTATC 12466  
 QY 1510 CTTTAAATGCTGATATATGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCT 1569  
 DB 12467 ATTTTATATGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCTTATATGCT 12526  
 QY 1570 ATCTGCTATGATGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 1629  
 DB 12527 TATCATTTGCTGATGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 12586  
 QY 1630 GAACATGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 1683  
 DB 12587 AAACATGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 12646  
 QY 1684 CAGCAGTGGGCTGCTGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 1743  
 DB 12647 CAGTATGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 12706  
 QY 1744 CAGTGTGCTGATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCTTATGCT 1803

DB 12707 CATGACCTTCGCAAAAGGCTGAATAGTTTACAGTCCACCAAGCAAGCTGTAAGGCTTCC 12766  
 QY 1804 CTTTCTCTCAAAAGCTCTCAAGATTTTATTAATTTGAGAACTTCTGAGATTCAGCAAGCT 1863  
 DB 12767 TATTTCTGATCT 12826  
 QY 1864 GATTCGCTCAAAAGCTCTCAAGCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT 1922  
 DB 12827 AATCTGCTCAAGATCT 12886  
 QY 1923 TGTTCGAAATCT 1982  
 DB 12887 TGAATGAAATCT 12946  
 QY 1983 ATTTCCT 2042  
 DB 12947 GATTCGCTCAAAAGCT 13006  
 QY 2043 GATTCGCTCAAAAGCT 2102  
 DB 13007 GATTCGCTCAAAAGCT 13066  
 QY 2103 CTCCTATTCGAAAGCT 2162  
 DB 13067 CTCCTATTCGAAAGCT 13126  
 QY 2163 TTTTCGCTCAAAAGCT 2222  
 DB 13127 GATTCGCTCAAAAGCT 13186  
 QY 2223 T 2223  
 DB 13187 T 13187

RESULT 13  
 US-09-962-436-281/c  
 Sequence 281, Application US/99962436  
 Patent No. US20020081301A1  
 GENERAL INFORMATION:  
 APPLICANT: Soppel, Daniel  
 TITLE OF INVENTION: Cancer Gene Determination and Therapeutic Screening Using Signat  
 FILE REFERENCE: 689290-75  
 CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/962,436  
 PRIOR FILING DATE: 2001-09-25  
 PRIOR APPLICATION NUMBER: 05/60/245,082  
 PRIOR FILING DATE: 2000-09-25  
 PRIOR APPLICATION NUMBER: US/60/244,924  
 PRIOR FILING DATE: 2000-09-25  
 NUMBER OF SEQ ID NOS: 568  
 SOFTWARE: Patent In Version 3.0  
 SEQ ID NO: 281  
 LENGTH: 167343  
 TYPE: DNA  
 ORGANISM: Homo sapiens  
 US-09-962-436-281

Query Match 14.7%, Score 421.2, EB 10, Length 167343,  
 Host Local Similarity 70.4%, Prod. No 7 80-84,  
 Matches 594, Conservative 9, Mismatches 232, Indels 8, Gaps 3

QY 1569 CATTCGCTCAAGCAATAGCTTCT 1626  
 DB 1574 CTAT 1915  
 QY 1629 TCAACATTCGCTCAAGCT 1682  
 DB 1914 TAAACATTCGCTCAAGCT 1855  
 QY 1683 CCATTCGCTCAAGCT 1742  
 DB 1854 CCATTCGCTCAAGCT 1795  
 QY 1743 ACATTCGCTCAAGCT 1802  
 DB 1794 ACATTCGCTCAAGCT 1745  
 QY 1803 CCTTCGCTCAAGCT 1862  
 DB 1734 CATTCGCTCAAGCT 1675  
 QY 1863 TCAATTCGCTCAAGCT 1921  
 DB 1674 TCAATTCGCTCAAGCT 1615  
 QY 1922 ATCTTCGCTCAAGCT 1981  
 DB 1614 ATCTTCGCTCAAGCT 1555  
 QY 1982 TATTCGCTCAAGCT 2041  
 DB 1554 TATTCGCTCAAGCT 1495  
 QY 2042 GATTCGCTCAAGCT 2101  
 DB 1494 TCAATTCGCTCAAGCT 1435  
 QY 2102 TCTTCGCTCAAGCT 2161  
 DB 1434 TCTTCGCTCAAGCT 1375  
 QY 2162 TTTTCGCTCAAGCT 2221  
 DB 1374 TCTTCGCTCAAGCT 1315  
 QY 2222 CT 2223  
 DB 1314 TT 1313

RESULT 14  
 US-09-954-824A-273/c  
 Sequence 273, Application US/99964824A  
 Patent No. US20020102531A1  
 GENERAL INFORMATION:  
 APPLICANT: Horrigan, Stephen  
 TITLE OF INVENTION: Cancer Gene Determination and Therapeutic Screening Using Sign  
 FILE REFERENCE: 689290-73  
 CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/954,824A  
 PRIOR FILING DATE: 2001-09-27  
 PRIOR APPLICATION NUMBER: US/60/246,033  
 PRIOR FILING DATE: 2000-09-28  
 PRIOR APPLICATION NUMBER: 05/60/246,032  
 PRIOR FILING DATE: 2000-09-28  
 PRIOR APPLICATION NUMBER: US/60/236,028  
 PRIOR FILING DATE: 2000-09-28  
 NUMBER OF SEQ ID NOS: 583  
 SOFTWARE: Patent In Version 3.0  
 SEQ ID NO: 273  
 LENGTH: 167343  
 TYPE: DNA  
 ORGANISM: Homo sapiens



OY 2223 T 2223  
1  
DB 4971 T 4971

Search completed: January 14, 2003, 10:23:31  
Job time: 15133.4 secs